**Interakce mezi hostitelem a patogenem ve vztahu k řešení cylindrosporiozy řepky způsobených Pyrenopeziza brassicae na druhuzích rodu Brassica**

**Host-pathogen interactions in relation to management of light leaf spot disease (caused by Pyrenopeziza brassicae) on Brassica species**

[Dewage, C. S. K](http://apps.webofknowledge.com/DaisyOneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=DaisyOneClickSearch&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&author_name=Dewage,%20CSK&dais_id=19173277&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage)., [Kloppel, C. A](http://apps.webofknowledge.com/DaisyOneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=DaisyOneClickSearch&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&author_name=Kloppel,%20CA&dais_id=22692063&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage)., [Stotz, H. U](http://apps.webofknowledge.com/DaisyOneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=DaisyOneClickSearch&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&author_name=Stotz,%20HU&dais_id=999940&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage)., [Fitt, B. D. L](http://apps.webofknowledge.com/DaisyOneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=DaisyOneClickSearch&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&author_name=Fitt,%20BDL&dais_id=104332&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage).2018. Host-pathogen interactions in relation to management of light leaf spot disease (caused by Pyrenopeziza brassicae) on Brassica species. CROP & PASTURE SCIENCE Volume: 69 Issue: 1 Pages: 9-19 Special Issue: SI DOI: 10.1071/CP16445

**Klíčová slova**: [crop losses](http://apps.webofknowledge.com/OneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=OneClickSearch&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&field=TS&value=crop+losses&uncondQuotes=true); [extracellular pathogens](http://apps.webofknowledge.com/OneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=OneClickSearch&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&field=TS&value=extracellular+pathogens&uncondQuotes=true); [pathogen population variation](http://apps.webofknowledge.com/OneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=OneClickSearch&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&field=TS&value=pathogen+population+variation&uncondQuotes=true); [QTL mapping](http://apps.webofknowledge.com/OneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=OneClickSearch&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&field=TS&value=QTL+mapping&uncondQuotes=true); [R-gene-mediated resistance](http://apps.webofknowledge.com/OneClickSearch.do?product=WOS&search_mode=OneClickSearch&excludeEventConfig=ExcludeIfFromFullRecPage&colName=WOS&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&field=TS&value=R-gene-mediated+resistance&uncondQuotes=true)

**Dostupný z**:

<http://apps.webofknowledge.com/full_record.do?product=WOS&search_mode=GeneralSearch&qid=5&SID=D3XRKwcV1b5pXwMhg23&page=3&doc=27>

Cylindrosporioza řepky, způsobená houbovým patogenem Pyrenopeziza brassicae, je nejhorší problém s chorobami u řepky olejné (Brassica napus) ve Spojeném království. Podle nedávných údajů z průzkumu se intenzita epidemií postupně ve Velké Británii zvyšuje, přičemž ztráty výnosů dosáhly v Anglii až 160 milionů liber ročně a nejzávažnější epidemie probíhají ve Skotsku. Cylindrosporioza je polycyklické onemocnění, přičemž primární inokulum sestává ze vzdušných ascospor produkovaných na napadených posklizňových zbytcích z předchozí sklizně. Konidie rozptýlené ve vodě rozstříknuté při dešti z nemocných listů, jsou hlavním zdrojem sekundárního inokula. Pyrenopeziza brassicae je také schopna infikovat a působit značné ztráty na výnosu druhů Brassica využívaných jako zelenina. To může být důvodem pro šíření choroby mezi různými druhy rodu Brassica. Vzhledem k tomu, že patogen má široký rozsah hostitelů a častý výskyt stádia sexuální reprodukce, populace P. brassicae pravděpodobně budou mít značnou genetickou rozmanitost a důkazy naznačují i variabilitu populací mezi různými zeměpisnými oblastmi. Dostupné nástroje pro ochranu proti této chorobě nejsou dostatečné k tomu, aby zajistily dostatečnou kontrolu nad onemocněním. Je třeba identifikovat nové zdroje rezistence, které mohou být integrovány s aplikacemi fungicidů. V předchozích studiích bylo zjištěno několik hlavních genů rezistence a kvantitativních genů odolnosti, ale rychlé zlepšení porozumění molekulárním mechanismům, které podporují B. napus-P. brassicae lze očekávat díky využívání nových genetických a genomických informací pro vyjasnění vztahů mezi rodem Brassica a extracelulárními houbovými patogeny.

**Zpracoval**: RNDr.Tomáš Spitzer, PhD., Agrotest fyto, s.r.o.Kroměříž, spitzer@vukrom.cz.